

(12) NACH DEM VERTRAG Ü[REDACTED] DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT [REDACTED] DEM GEBIET DES  
PATENTWESENS (PCT) VERÖFFENTLICHTE INTERNATIONALE ANMELDUNG

(19) Weltorganisation für geistiges Eigentum  
Internationales Büro



(43) Internationales Veröffentlichungsdatum  
8. Juli 2004 (08.07.2004)

PCT

(10) Internationale Veröffentlichungsnummer  
**WO 2004/057022 A1**

(51) Internationale Patentklassifikation<sup>7</sup>: **C12Q 1/68**

STANZEL, Manfred [DE/DE]; Taunusstr. 100, 91056 Erlangen (DE).

(21) Internationales Aktenzeichen: PCT/DE2003/004136

(74) Gemeinsamer Vertreter: **SIEMENS AKTIENGESELLSCHAFT**; Postfach 22 16 34, 80506 München (DE).

(22) Internationales Anmeldedatum:  
15. Dezember 2003 (15.12.2003)

(81) Bestimmungsstaaten (national): CA, JP, US.

(25) Einreichungssprache: Deutsch

(84) Bestimmungsstaaten (regional): europäisches Patent (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PT, RO, SE, SI, SK, TR).

(30) Angaben zur Priorität:  
102 59 819.3 19. Dezember 2002 (19.12.2002) DE

Veröffentlicht:

— mit internationalem Recherchenbericht  
— vor Ablauf der für Änderungen der Ansprüche geltenden Frist; Veröffentlichung wird wiederholt, falls Änderungen eintreffen

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten mit Ausnahme von US): **SIEMENS AKTIENGESELLSCHAFT** [DE/DE]; Wittelsbacherplatz 2, 80333 München (DE).

Zur Erklärung der Zweibuchstaben-Codes und der anderen Abkürzungen wird auf die Erklärungen ("Guidance Notes on Codes and Abbreviations") am Anfang jeder regulären Ausgabe der PCT-Gazette verwiesen.

(72) Erfinder; und

(75) Erfinder/Anmelder (nur für US): **GUMBRECHT, Walter** [DE/DE]; In der Röte 1, 91074 Herzogenaurach (DE).

---

(54) Title: METHOD AND DEVICE FOR PCR-AMPLIFICATION AND DETECTION OF NUCLEOTIDE SEQUENCES

(54) Bezeichnung: VERFAHREN UND VORRICHTUNG ZUR PCR-AMPLIFIKATION UND DETEKTION VON NUCLEOTIDSEQUENZEN

(57) Abstract: The invention relates to a DNA-Chip comprising a flat carrier and an array of spots containing probe molecules (oligonucleotides) which are arranged on said carrier. Each spot is associated with a microelectrode arrangement for impedance spectroscopic detection of binding events occurring between the probe molecules and target molecules (DNA fragments) applied by means of an analyte solution. In order to increase the sensitivity or the binding specific measuring effects of the biochip, the electrode arrangement is at least partially embedded in a hydrophilic reaction layer containing probe molecules and which is permeable to target molecules.

(57) Zusammenfassung: Die Erfindung betrifft einen DNA-Chip mit einem Flachträger und einem darauf angeordneten Array von Sondenmolekülen (Oligonukleotide) enthaltenden Spots, wobei jedem Spot eine Mikroelektroden-Anordnung zur impedanzspektroskopischen Detektion von Bindungsereignissen zwischen den Sondenmolekülen und mittels einer Analytlösung applizierten Zielmolekülen (DNA-Fragmenten) zugeordnet ist. Zur Erhöhung der Sensitivität bzw. des bindungsspezifischen Messeffekts des Bio-Chips ist die Elektrodenanordnung zumindest teilweise in eine Sondenmoleküle enthaltende und für Zielmoleküle durchlässige hydrophile Reaktionsschicht eingebettet.

**WO 2004/057022 A1**

**BEST AVAILABLE COPY**

## Beschreibung

## Verfahren und Vorrichtung zur PCR-Amplifikation und Detektion von Nucleotidsequenzen

5

Die Erfindung betrifft ein Verfahren zur PCR-Amplifikation und Detektion von Nucleotidsequenzen. Ein solches Verfahren dient beispielsweise in der medizinischen Diagnostik dazu, infektiöse Zielsequenzen viraler oder bakterieller DNA aufzuspüren. Daneben bezieht sich die Erfindung auch auf eine zugehörige Vorrichtung zur Durchführung des Verfahrens.

Während einer PCR (Polymerase Chain Reaction) wird die zu untersuchende Probe einer zyklischen Temperaturbehandlung unterzogen, bei der DNA-Fragmente im Wesentlichen mit Hilfe eines Primerpaars und einer Polymerase vervielfältigt werden. Heute stehen für solche Analysen Verfahren zur Verfügung, bei denen die PCR auf einem Microchip durchgeführt wird, der ein Array von als „Gel-Pads“ ausgebildeten Microspots aufweist (WO 01/34842 A2). Um eine fluoreszenzspektroskopische Detektion von Hybridisierungen in den Microspots zu ermöglichen, wird bei den bekannten Verfahren der Analytlösung ein markierter Primer zugesetzt.

25 Vom Stand der Technik sind Verfahren zur Amplifikation und Detektion von Nukleinsäuren bekannt. Dabei können Gel-Pads als hydrophile Reaktionsschichten getrennte Mikrospots auf einem Mikroarray bilden, wobei in den Gel-Pads sich Oligonukleotide befinden, die mit zu identifizierenden Zielnukleinsäuren hybridisieren können. Weiterhin ist aus der Druckschrift „Nucleic Acids Res.“ (1999) 27 (18) e19, Seiten 1 bis 6, bekannt, Amplifikationsreaktionen in Gel-Pads auf einem Mikroarray und Nachweisreaktionen durch Einzelbasen-Elongation durchzuführen. Im Zusammenhang damit sind weiterhin die 30 DE 196 10 115 C2, in der ein Array mit einer Mikroelektrodenanordnung offenbart ist, und die WO 01/42508 A2, die Gel-Pads mit immobilisierten Sonden in Kontakt mit Mikroelektro-

den offenbart, anzuführen. Schließlich beinhaltet die WO 99/36576 A1 die Verwendung von Gel-Pads in einem Array sowie Verfahren und Systeme zu deren Herstellung, wobei sogenannte intelligente Gele als Reaktionsschichten hergestellt werden sollen.

Davon ausgehend ist es Aufgabe der Erfindung, ein verbessertes Verfahren zur Amplifikation und Detektion von Nucleotidsequenzen vorzuschlagen, mit dem ein kontinuierliches Monitoring der PCR und insbesondere eine gleichzeitige Untersuchung mehrerer Zielsequenzen oder mehrerer Mutationen einer Zielsequenz auf einfache Weise möglich ist. Daneben soll eine Vorrichtung geschaffen werden, die insbesondere eine elektrochemische Messung ermöglicht.

15

Die Aufgabe wird durch die Verfahrensschritte gemäß Patentanspruch 1 gelöst. Eine zugehörige Vorrichtung ist Gegenstand des Patentanspruches 11. Weiterbildungen sind in den jeweiligen abhängigen Ansprüchen angegeben.

20

Beim erfindungsgemäßen Verfahren wird folgendermaßen vorgegangen:

- a) es wird ein Microchip mit einem Array von mehreren Analysepositionen bildenden Microspots bereit gestellt, welche jeweils eine hydrophile Reaktionsschicht und eine darin eingebettete Mikroelektrodenanordnung umfassen, wobei die Reaktionsschicht wenigstens ein immobilisiertes, mit einer zu identifizierenden Zielsequenz eines DNA-Fragments hybridisierbares Oligonucleotid als Sondenmolekül enthält,
- 25 b) eine mehrere Zielsequenzen und PCR-Reagenzien enthaltende Analytlösung wird so auf den Microchip aufgebracht, dass sie das Array vollständig überdeckt,
- c) zur Amplifikation der Zielsequenzen wird das Array einer Thermozyklisierung unterworfen,
- 30 d) Hybridisierungsergebnisse an immobilisierten Sondenmolekülen einer Analyseposition werden mit Hilfe der ihr zugeordneten Mikroelektrodenanordnung detektiert.

Vorteilhaft bei diesem Verfahren ist zunächst, dass sich Bindungs- bzw. Hybridisierungsereignisse in einem Microspot ohne Unterbrechung der ablaufenden Reaktionszyklen und mit einem 5 minimalen apparativen Aufwand von Beginn der PCR an detektieren lassen. Da sich in den Microspots voneinander unabhängige Elektrodenanordnungen befinden, ist jede Analyseposition einzeln adressierbar und somit mit einem bestimmten Sondenmolekül bzw. einer gesuchten Zielsequenz korrelierbar. Es kann 10 daher eine Hybridisierung in einer Vielzahl von Microspots auf einfachste Weise gleichzeitig verfolgt werden. Bei optischer Auslesung hingegen wäre ein optisches Erfassungssystem erforderlich, das schon allein wegen der geringen Größe der Spots und deren Anordnung auf engstem Raum technisch aufwendig ist. Der technische Aufwand wird noch vergrößert, wenn 15 Arrays mit einer großen Zahl von Microspots auszulesen sind.

Die in einem Microspot durch Hybridisierung mit immobilisierten Sondenmolekülen festgehaltenen Nucleotidsequenzen verändern 20 aufgrund ihrer elektrischen Teilladungen elektrische Parameter wie beispielsweise den Leitwert innerhalb eines Microspots oder die Impedanz einer Elektrodenanordnung. Damit ist mit einer erfindungsgemäßen Vorrichtung aus einem Bio-Chip mit Mikroelektrodenanordnung eine elektrochemische bzw. 25 elektrische Auswertung möglich.

Bei einem aus DE 196 10 115 C2 bekannten impedanzspektroskopisch auslesbaren Bio-Chip sind zwar bereits auf einem Träger mehrere interdigitale Elektrodenanordnungen vorhanden, wobei 30 Sondenmoleküle auf den Elektroden und auf den zwischen den Elektroden angeordneten Flächen immobilisiert sind. Problematisch bei dieser Art der Detektion von Bindungsereignissen ist, dass sich die Abmessungen der Elektrodenstrukturen um Größenordnungen von molekularen Dimensionen unterscheiden. 35 Mit noch vertretbarem technischen Aufwand lassen sich Elektroden mit einer Breite zwischen 1 und 10  $\mu\text{m}$ , insbesondere von etwa 5 - 10  $\mu\text{m}$ , mit einem ebensolchen Abstand und mit ei-

ner Dicke von etwa 0,1 bis 0,5  $\mu\text{m}$  herstellen. Der impedanzspektroskopisch erfassbare Bereich des elektrischen Feldes einer solchen Elektrodenanordnung erstreckt sich etwa 5 bis 10  $\mu\text{m}$  über die Trägeroberfläche bzw. die von der Elektrodenanordnung aufgespannte Planebene hinaus. Dagegen hat ein beispielsweise 100 Basenpaare aufweisendes Sondenmolekül eine Länge von nur etwa 30 nm, d.h. 0,3  $\mu\text{m}$ . Entsprechend gering ist der Einfluss von Bindungsereignissen in einer auf der Sensorfläche bzw. den Elektroden immobilisierten monomolekularen Schicht von Sondenmolekülen auf das elektrische Feld bzw. auf die Impedanz der Elektrodenanordnung.

Dadurch, dass erfindungsgemäß die Elektrodenanordnung zumindest teilweise in eine Sondenmoleküle enthaltende und für Zielmoleküle durchlässige hydrophile Reaktionsschicht eingebettet ist, kann innerhalb der Reaktionsschicht eine viel größere Anzahl von Sondenmolekülen bzw. Zielsequenzen ange- sammelt werden als in einer monomolekularen Schicht. Die Folge ist eine weitaus größere Beeinflussung des elektrischen Feldes bzw. des impedanzspektroskopischen Erfassungsbereiches der Elektrodenanordnung. Ein derart ausgestalteter Bio-Chip weist eine entsprechend größere Messempfindlichkeit bzw. Sensitivität auf. Bei herkömmlichen Bio-Chips dagegen würde eine durch PCR erzielte Konzentrationserhöhung der Zielsequenzen aufgrund des geringen Angebots an Sondenmolekülen zu keiner Steigerung der Sensitivität führen.

Die bei einem erfindungsgemäßen Verfahren verwendete Reaktionsschicht muss, um eine PCR durchzuführen, bis etwa 95°C thermisch stabil sein. Thermisch stabil soll dabei bedeuten, dass die Reaktionsschicht auch bei der angegebenen Temperatur derart beschaffen ist, dass sie Sondenmoleküle festhält, dass in ihr eine Hybridisierung/Denaturierung (Aufschmelzen) von Zielsequenzen und Sondenmolekülen ungehindert stattfinden kann und dass sie auch ihre sonstigen Eigenschaften im wesentlichen beibehält. Zur Immobilisierung enthält die Reaktionsschicht vorzugsweise Polymere mit Kopplungsgruppen, an die

Sondenmoleküle kovalent gebunden sind. Dadurch ist sicher gewährleistet, dass Bindungspaare aus Zielsequenzen und Sondenmolekülen bei Spülvorgängen im Anschluss an eine PCR in der Reaktionsschicht zurückgehalten werden.

5

Eine besonders geeignete Reaktionsschicht besteht aus einem Hydrogel. Hydrogele bilden ein wässriges Milieu in mechanisch stabiler Form, das einen Stoffaustausch mit einem überwiegend wässrigen Analyten erlaubt. Als besonders geeignet haben sich 10 radikalisch vernetzbare Hydrogele auf Acrylamidbasis mit Maleinsäureanhydrid und/oder Glycidyl(meth)acrylat als Kopp- lungengruppen erwiesen.

Bei einer weiteren bevorzugten Ausführungsform umfasst der 15 Flachträger des Bio-Chips als Substrat Silizium(Si) und eine damit verbundene Isolierschicht, wobei letztere auf ihrer der Siliziumschicht abgewandten Seite die Elektrodenanordnung und die Reaktionsschicht trägt. Bei einer solchen Anordnung lässt sich die elektrische Verschaltung der Elektrodenanordnung unter Verwendung der von Si-Speicherchips bekannten Technologie 20 verwirklichen.

Ein besonderer Vorteil des vorgeschlagenen Verfahrens besteht darin, dass es bei Simultan- bzw. Multiplexuntersuchungen eine 25 größere Vielfalt an unterschiedlichen Gestaltungsmöglichkeiten erlaubt. Dies liegt u.a. daran, dass in während der PCR entstandene Amplicons keine Markierung eingebaut werden muss, was vor allem bei komplexen Tests die Gefahr in sich birgt, dass es zwischen den zur Markierung erforderlichen 30 Stoffen und zwischen diesen und zu identifizierenden Zielsequenzen zu unerwünschten Wechselwirkungen kommt.

Weitere Einzelheiten und Vorteile der Erfindung ergeben sich aus der nachfolgenden Figurenbeschreibung von Ausführungsbeispielen 35 anhand der Zeichnung in Verbindung mit den Patentansprüchen. Es zeigen:

Fig. 1 eine vereinfachte perspektivische Darstellung eines einen Flachträger und ein Array von Microspots umfassenden Microchips,

5 Fig. 2 einen Querschnitt durch einen Spot entsprechend Linie II-II in Fig. 1, in vergrößerter ausschnittsweiser Darstellung,

Fig. 3 einen Ausschnitt einer einem Spot zugeordneten Elektrodenanordnung,

10 Fig. 4 eine Ausführungsform eines Microchips mit einer 4-poligen Elektrodenanordnung in einer Fig. 2 entsprechenden Darstellung,

Fig. 5 die Elektrodenanordnung des Microchips von Fig. 4 in einer Fig. 3 entsprechenden Darstellung,

15 Fig. 6 eine schematische Darstellung, die eine erste Verfahrensvariante einer PCR-gestützten Analyse verdeutlicht,

Fig. 7 eine die Wirkungsweise eines unspezifischen Primerpaares aufzeigende Schemazeichnung,

20 Fig. 8 eine schematische Darstellung einer Abwandlung der ersten Verfahrensvariante,

Fig. 9 eine schematische Darstellung einer zweiten Verfahrensvariante,

Fig. 10 eine schematische Darstellung einer dritten Verfahrensvariante

25

Wie Fig. 1 zeigt, umfasst ein als Bio-Chip 1 bezeichnetes Element einen Flachträger 2, auf dessen einer Seite ein Spot-Array 3 aufgebracht ist. Ein im folgenden mit Spot 4 bezeichneter Microspot enthält immobilisierte Sondenmoleküle, beispielsweise Oligonucleotide. Wird auf einen Spot 4 eine Analytlösung mit unbekannten Zielmolekülen aufgebracht, so kommt es bei entsprechender Übereinstimmung in der Basensequenz zu einer Ankopplung des Zielmoleküls an das Sondenmolekül. Die durch ein solches Bindungsereignis hervorgerufene Eigenschaftsänderung, z.B. Änderungen des spezifischen Widerstandes, der Impedanz oder der Dielektrizitätskonstante, kann mit einer Elektrodenanordnung 5 erfasst werden.

Vom Spot-Array 3 bzw. Mikrochip 1 mit darin implementierten Elektroden wird eine Vorrichtung gebildet, die ein Online-Monitoring zulässt. Eine solche Vorrichtung kann unterschiedlich 5 ausgebildete Elektrodenanordnungen aufweisen, die in den Figuren 3 und 5 dargestellt sind. Die Figuren 2 und 4 zeigen dagegen die Phänomenologie der Immobilisierung und der Messung bei solchen Anordnungen.

10 Beim Ausführungsbeispiel von Fig. 2 ist eine zweipolige Elektrodenanordnung vorhanden. Diese ist beispielsweise mit Hilfe eines photolithographischen Verfahrens auf den Flachträger 2 aufgebracht. Die Elektrodenanordnung 5 umfasst zwei Elektroden 6, 7, die in Form einer Interdigitalstruktur ausgebildet sind. D.h. jede Elektrode umfasst mehrere streifenförmige parallel zueinander verlaufende Teilelektroden 6a, 7a, die sich jeweils in den Zwischenraum zweier Teilelektroden der jeweils anderen Elektrode hinein erstrecken. Die Teilelektroden 6a, 7a sind durch einen ebenfalls streifenförmigen, sich quer zu den Teilelektroden 6a, 7a streckenden Verbindungsleiter 6b, 7b miteinander verbunden. Die Elektroden 6, 7 sind mit einem hochfrequenten Wechselstrom im Megahertzbereich beaufschlagt. Die Breite 8 der Teilelektroden 6a, 7a beträgt ca. 1  $\mu\text{m}$ , ihre Höhe 9 beträgt etwa 100 bis 15 500 nm. Zwischen den Teilelektroden 6a, 7a ist ein Abstand 10 von ebenfalls ca. 1  $\mu\text{m}$  vorhanden.

Der Flachträger 2 umfasst eine Siliziumschicht 12 und eine zwischen dieser und den Elektroden 6, 7 angeordnete Isolierschicht 13 aus einem Polymer. Die für eine z.B. impedanzspektroskopische Messung von Bindungsereignissen erforderlichen elektrischen Verschaltungen und Bauteile sind in herkömmlicher Weise durch eine entsprechende Topologie der Siliziumschicht realisiert, was in Figur 2 nicht weiter dargestellt ist. Auf der Isolierschicht 13 ist eine Reaktionsschicht 14 aus einem Hydrogel aufgebracht, welches weiter unten näher beschrieben wird. Es kann zweckmäßig sein, den

Flachträger 2 bzw. die Siliziumschicht 13 im Bereich eines Spots mit einer Vertiefung zu versehen, welche mit der Reaktionsschicht 14 aufgefüllt ist (siehe Fig. 6, 8 - 10). In der Reaktionsschicht 14 bzw. dem Hydrogel sind Sondenmoleküle 15, 5 was in Fig. 2 überdimensioniert und symbolisch dargestellt ist, eingebettet und homogen verteilt. Ein Sondenmolekül mit 300 Basen weist etwa eine Länge von 100 nm auf. Demzufolge hat eine unimolekulare Schicht von Sondenmolekülen bei herkömmlichen Microchips allenfalls etwa eine Dicke entsprechend 10 der Linie 16 in Fig. 2. Es ist leicht einsehbar, dass eine solche Schicht relativ wenige Sondenmoleküle 15 aufnehmen und dementsprechend im Falle von Bindungs- bzw. Hybridisierungsereignissen das elektrische Feld der Elektrodenanordnung nur gering beeinflussen kann. Demgegenüber ist bei einem erfundungsgemäßen Microchip der Sondenmoleküle 15 enthaltende und 15 von Feldlinien 17 durchdrungene Reaktionsbereich wesentlich erweitert und bietet Platz für eine um mehrere Zehnerpotenzen größere Anzahl von Sondenmolekülen 15. Wird auf ein solcher Art ausgestaltetes Spot-Array 3 bzw. auf einen Spot 4 eine 20 Analytlösung 18 aufgebracht, so finden die darin enthaltenen Zielmoleküle 19 bzw. Zielsequenzen, die in Fig. 2 ebenfalls übertrieben groß und nur symbolisch dargestellt sind, eine wesentlich größere Anzahl möglicher Bindungspartner in Form 25 der Sondenmoleküle 15 vor.

25 Die Reaktionsschicht 14 ist vorzugsweise so dimensioniert bzw. weist eine derartige Dicke, beispielsweise von 5 bis 10  $\mu\text{m}$ , auf, dass der impedanzspektroskopische Erfassungsbe- 30 reich praktisch vollständig ausgenutzt ist, was bei einer Dicke der Reaktionsschicht von etwa 5 bis 10  $\mu\text{m}$  der Fall ist. Bei entsprechender Konzentration von Sondenmolekülen 15 in diesem Bereich kann somit der bindungsspezifische Messeffekt des Microchips wesentlich erhöht werden. Die Reaktionsschicht ist so beschaffen, dass sie ein wässriges Reaktionsmedium zur 35 Verfügung stellt. Weiterhin ist sie so beschaffen, dass Zielmoleküle 19 oder auch andere für eine Reaktion benötigte Stoffe, beispielsweise Polymerase, in sie eindiffundieren

können, ohne dass dabei deren Reaktivität beeinträchtigt wird.

Wie schon oben erwähnt, wird erfindungsgemäß ein Hydrogel als Reaktionsschicht 14 verwendet. Ein Hydrogel stellt ein wässriges Milieu in mechanisch stabiler Form bei gleichzeitiger Gewährleistung des Stoffaustausches in einer überwiegend wässrigen Umgebung dar. Durch Wahl der chemischen Zusammensetzung, was die Komponenten und deren Verhältnis untereinander betrifft, können die Eigenschaften der Hydrogele, wie Wassergehalt, Quellverhalten, mechanische Stabilität, etc., über weite Bereiche variiert werden. Ein Hydrogel, das leicht herstellbar ist, und das eine gute Haftung sowohl zur Elektrodenanordnung 5 als auch zur Isolierschicht 13 aufweist, ist ein radikalisch vernetzbares Hydrogel auf Acrylamidbasis, das ein Comonomer enthält, welches eine kovalente Ankopplung entsprechend modifizierter Sondenmoleküle über Linkergruppen ermöglicht. Das Hydrogel umfasst neben der Monomervorstufe des Polyacrylamids ein Vernetzungsmittel, wenigstens einen Radikalinitiator, wenigstens ein Comonomer mit reaktiven Linkergruppen und gegebenenfalls wenigstens einen Weichmacher. Nach Schichtherstellung und anschließender thermischer bzw. Fotovernetzung wird ein mit Wasser quellbares Hydrogel erhalten, das reaktive Linkergruppen zur Immobilisierung von Sondenmolekülen enthält. Als Vernetzungsmittel werden Methylenbisacrylamid und/oder Dimethylacrylsäureester, beispielsweise Tetraethylenglycoldimethacrylat, eingesetzt.

Durch die Variationen der Konzentrationen des Vernetzungsmittels lässt sich die Maschenweite des Hydrogels einstellen. Das verwendete Comonomer enthält Maleinsäureanhydrid und/oder Glycidyl(meth)acrylat. Als Weichmacher eignet sich Mono-Di- und/oder Triethylenglykol. Die genannten Ausgangsstoffe sind mit einem polaren, mit Wasser mischbaren Lösungsmittel, vorzugsweise mit Dimethylformamid, vermischt. Durch Variation des Lösungsmittelanteiles kann die Verarbeitungsviskosität eingestellt werden. Die Haftung an der Flachträgeroberfläche sowie

an der Elektrodenanordnung 5 kann durch Beimengung üblicher Haftvermittler beispielsweise auf Silanbasis verstärkt werden.

5 In Fig. 4 und 5 ist eine vier-polare Elektrodenanordnung 20 dargestellt. Die Elektrodenanordnung 20 setzt sich aus zwei Stromelektroden 22, 23 und zwei Spannungs- bzw. Sondenelektroden 24, 25 zusammen. Die Stromelektroden 22, 23 sind entsprechend der Elektrodenanordnung 5 des Ausführungsbeispiels  
10 nach Fig. 2 angeordnet und ausgestaltet. Die Sondenelektroden 24, 25 sind ebenfalls streifenförmig und erstrecken sich als mäanderförmiger Doppelstrang durch die zwischen den Teil-  
elektroden 22a und 23a vorhandenen Zwischenräume hindurch.  
Die Stromelektroden 22, 23 sind mit einem hochfrequenten  
15 Wechselstrom beaufschlagt. An den Sondenelektroden 24, 25 liegt ein Spannungsmesser 26 an, mit dem eine Veränderung des elektrischen Wechselfeldes in Folge von Hybridisierungseignissen detektierbar ist. Die Messung kann somit unabhängig von den Stromelektroden erfolgen, so dass sich z.B. deren die  
20 Elektrodenkapazität erhöhende Polarisation nicht auf die Messung auswirken kann. Dagegen muss bei einer 2-poligen Elektrodenanordnung die Elektrodenkapazität durch eine entsprechend hohe, messtechnisch ungünstige Messfrequenz gering gehalten werden, um den für die Messung ausschlaggebenden Wi-  
25 derstand der Analytlösung bzw. der Reaktionsschicht bestimmen zu können.

Bei einer in Fig. 6 (siehe hierzu und zu Fig. 8 bis 10 die weiter unten wiedergegebene Legende) schematisch aufgezeigten  
30 Verfahrensvariante wird auf einen Microchip 1 eine Analyiselösung 18 aufgebracht, die ein DNA-Fragment  $F_A$  mit einer Ziel-  
sequenz  $Z_A$ , ein externes Primerpaar sowie die für eine PCR erforderlichen Reagenzien, wie eine Taq-(DNA) Polymerase, dNTP's (Desoxinucleosidtriphosphate) etc. enthält. Bei der  
35 Zielsequenz  $Z_A$  handelt es sich um eine solche, die in mehreren unterschiedlichen Varianten vorkommen kann, z.B. Typisierung von Viren, z.B. HIV oder HPV. Jeder möglichen Variante

( $Z_{A1}$ ,  $Z_{A2}$  usw.) ist mindestens ein eigener Spot 4A1, 4A2 usw. zugeordnet, wobei innerhalb der Reaktionsschicht 18 des jeweiligen Spots ein einziger Oligonucleotidtyp als Sondenmolekül immobilisiert ist, welcher mit einer spezifischen Zielsequenz hybridisieren kann. Die auf übliche Weise unter Anwendung einer Thermozyklisierung durchgeführte Amplifikation (PCR) der Zielsequenz  $Z_A$  erfolgt ausschließlich in der mobilen Phase 18. Vorzugsweise wird ein Primerpaar verwendet, das außerhalb der Zielsequenz  $Z_A$  ankoppelt (hybridisiert), wie in Fig. 7 angedeutet, ist. Der kopierte Doppelstrang, also der Strang  $S^+$  und der Gegenstrang  $S^-$  lösen sich beim Denaturieren (Aufschmelzen) voneinander. Üblicherweise wird der Strang  $S^+$  („sense“ Strang) zur Identifizierung einer Zielsequenz herangezogen. Dementsprechend sind in den Spots 4A1, 4A2 Oligonucleotide immobilisiert, die genau mit diesem Strang hybridisieren. Im einfachsten Fall der Anwesenheit nur eines DNA-Fragmentes  $Z_{A1}$  sammelt sich die amplifizierte Zielsequenz  $Z_{A1}$  durch Hybridisierung in jenem Spot an, in dem das entsprechend komplementäre Fängeroligonucleotid  $Z_{A1}$  immobilisiert ist.

Bei der in Fig. 8 angedeuteten Verfahrensvariante sind in der Analytlösung 18 verschiedenen Arten von DNA-Fragmenten vorhanden. Beispielhaft sind zwei solcher DNA-Fragmente,  $F_A$  und  $F_B$ , gezeigt. Bei einem oder allen der in der Analytlösung 18 vorhandenen DNA-Fragment/en kann es sich um solche gemäß der Verfahrensvariante nach Fig. 6 handeln. In diesem Fall sind unterschiedliche Gruppen von Spots vorzusehen, wobei jeder Gruppe die Typisierung der Varianten eines DNA-Fragmentes zugeordnet ist. Ziel der analytischen Untersuchung können aber auch „völlig“ unterschiedliche DNA-Fragmente sein. In diesem Fall ist es prinzipiell ausreichend, einem DNA-Fragment  $F_A$ ,  $F_B$  jeweils einen einzigen Analyse-Spot 4A, 4B zuzuordnen. Wie auch bei der Verfahrensvariante nach Fig. 6, ist hier in der Analytlösung 18 ein externes Primerpaar vorhanden. Dieses wird so ausgewählt, dass es für die Amplifikation aller zu

analysierenden DNA-Fragmente  $F_A$ ,  $F_B$  geeignet ist („Multiplex PCR“).

Die bei Fig. 6 und Fig. 8 aufgezeigten Fänger-Oligonucleotide  
5 können in weiteren Verfahrensvarianten als Primer fungieren,  
falls sie durch DNA-Polymerasen verlängert werden können. Es  
findet dann, wenn die Reaktionsschicht 18 durchlässig für die  
DNA-Polymerase und das/die Template/s sowie die weiteren Kom-  
ponenten der PCR-Reaktion ist, eine Elongation der immobili-  
10 sierten Oligonucleotide entsprechend der Sequenz der hybridisi-  
erten Matrix statt.

Bei der in Fig. 9 angedeuteten Verfahrensvariante sind mehre-  
re verschiedene DNA-Fragmente entsprechend den Verfahrens-  
15 varianten nach Fig. 6 oder nach Fig. 8 vorhanden. Beispielhaft  
sind zwei solche DNA-Fragmente,  $F_A$  und  $F_B$ , gezeigt. Während  
bei den bisher beschriebenen Verfahrensvarianten der Analyt-  
lösung ein Primerpaar zugesetzt wurde, ist nunmehr nur ein  
20 Primer des Primerpaars mobil und gelöst in Lösung vorhanden.  
Dieser Primer ist unspezifisch, das heißt, es handelt sich um  
einen externen Primer, der bei sämtlichen in der Analytlösung  
vorhandenen DNA-Fragmenten  $F_A$  und  $F_B$  außerhalb der nachzuwei-  
senden Zielsequenz  $Z_A$  und  $Z_B$  (vorzugsweise am „sense“ Strang)  
25 ankoppelt. Nach dem Denaturieren der Analytlösung diffundie-  
ren die DNA-Einzelstränge wahllos in die Spots ein. In diesen  
Spots sind spezifische direkt vor der Zielsequenz der Analyt-  
DNA bindende Oligonucleotidfächer immobilisiert. Nur dort, wo  
die Analyt-DNA auf komplementäre immobilisierte Oligonucleo-  
tide (Fänger) trifft, findet eine Hybridisierung statt. Im  
30 folgenden Elongationsschritt der PCR wird das 5'-Ende der  
Fänger-Oligonucleotide, die vorher selektiv die nachzuweisen-  
den DNA-Fragmente eingefangen (gebunden) haben, entsprechend  
der Information der hybridisierten Matrize verlängert. Der  
Fänger wird damit zum Primer für die DNA-Polymerasereaktion.

35

Letzteres bedeutet, dass eine Elongation nur in einem solchen  
Microspot stattfinden kann, in dem auch der zur Zielsequenz

komplementäre Fänger vorhanden ist. Im Falle des Schemas in Fig. 9 heißt dies, dass der Strang  $S^+$  des DNA-Fragmentes  $F_A$  im Spot 4A und der Strang  $S^+$  des DNA-Fragmentes  $F_B$  im Spot 4B durch Elongation des jeweiligen immobilisierten Primers/Fängers kopiert wird. Beim nach dem jeweiligen Amplifikationsschritt und dem Aufschmelzen folgenden Reannealing lagern sich die ursprünglich vorhandenen und die in der Lösung neu entstandenen Zielsequenzen an komplementäre Fänger bzw. Sequenzen an. Auf Grund der Erhöhung der Konzentration der Zielsequenz durch den vorhergehenden PCR-Zyklus werden diese Sequenzen auch an noch nicht verlängerte, in ihrer ursprünglichen Form vorhandene Fängeroligonucleotide binden, so dass der nächste PCR-Elongationsschritt an diesen, durch die Hybridisierung neu entstandenen Primern ansetzt. Dadurch steigt die Konzentration an verlängertem Fänger mit jedem PCR-Zyklus. Diese Erhöhung der Konzentration an, um etwa 100-300 Basen verlängertem Fänger/Primer (gegenüber ursprünglich 20-30 Basen), ruft eine elektrische Feld- oder Widerstandsänderung hervor, die mit Hilfe der Elektrodenanordnung 5 bzw. 20 gemessen und zum PCR-Monitoring („on-line“ PCR) genutzt werden kann.

Bei der Verfahrensvariante nach Fig. 10 sind in der Analytlösung 18 eine oder mehrere DNA-Fragmentspezies entsprechend den Verfahrensvarianten nach Fig. 6 oder Fig. 8 vorhanden. Während bei den Varianten nach Fig. 6 sowie Fig. 8 Primerpaare und bei der Variante nach Fig. 9 nur ein Primer des/der Primerpaars/Primerpaare der Analytlösung zugesetzt wurden, sind hier keine gelösten freien Primer in der Lösung vorhanden. Die Elongationsreaktionen finden hier in den einzelnen Microspots 4A, 4B etc. statt. Im Gegensatz zu allen anderen Verfahrensvariante werden hier (Fig. 10) beide für den spezifischen Nachweis beider DNA-Stränge der Zielsequenz notwendigen Fänger des Fängerpaar im jeweils gleichen Gelspot immobilisiert, d.h. ein immobilisiertes internes an eine Zielsequenz hybridisierendes Fänger/Primerpaar ist vorhanden. Nach dem Aufschmelzen (Denaturieren) der Probe diffundieren die

DNA-Einzelstränge wahllos in die Spots ein. Der Strang  $S_A^+$  bzw.  $S_A^-$  hybridisiert mit seinem 5'- bzw. 3'- Ende an den komplementären Primer des Primerpaars im Spot 4A.

5 Gemäß Fig. 10 bindet am Spot 4A der  $S^+$ -Strang des DNA-Frag-  
ments  $F_A$  an einen mit  $A^+$  indizierten Primer sowie der  $S^-$ -  
Strang des DNA-Fragments  $F_A$  an einen mit  $A^-$  indizierten Pri-  
mer. Es wird dann ein antiparalleler Strang  $S^-$  bzw.  $S^+$  gebil-  
det, der nun, da er durch Elongation des immobilisierten Pri-  
mers  $A^+$  bzw.  $A^-$  synthetisiert wurde, ebenfalls immobilisiert  
10 ist. Demgegenüber ist das 3'-Ende des elongierten Stranges  $S^-$   
bzw.  $S^+$  frei beweglich und kann mit einem in seiner Nähe in  
der Reaktionsschicht immobilisierten Gegen-Primer  $A^-$  bzw.  $A^+$   
hybridisieren. Beim folgenden Amplifikationsschritt ergibt  
15 sich daraus ein  $S^+$ - bzw.  $S^-$ -Strang, der, da er durch Elonga-  
tion des immobilisierten Primers  $A^+$  bzw.  $A^-$  gebildet wurde,  
ebenfalls immobilisiert ist.

20 Die bei jedem PCR-Zyklus auftretende Erhöhung der Konzentra-  
tion an entsprechend verlängerten Fängern ruft, wie bereits  
weiter oben beschrieben, eine elektrische Feld- oder Wider-  
standsänderung hervor, die mit Hilfe der Elektrodenanordnung  
5 bzw. 20 zum PCR-Monitoring genutzt werden kann. Damit ist  
eine on-line PCR möglich.

25 Für das neue, vorstehend im Einzelnen erläuterte Verfahren  
zur Amplifikation und Detektion von Nucleotidsequenzen wird  
ein Bio-Chip verwendet, wie er in den Figuren 2 und 4 in den  
Alternativen als Zwei-Pol- oder Vier-Pol-Anordnung beschrie-  
ben ist.

30 Speziell aus den Figuren 2 und 4 ist ersichtlich, dass der  
für das angegebene Verfahren geeignete Bio-Chip einschließ-  
lich der darauf angeordneten Reaktionsschicht und der damit  
35 in Kontakt befindlichen Analytlösung in einem in diesen Figu-  
ren als Rahmen dargestellten Gehäuse angeordnet ist. Entspre-  
chend den Figuren 6 sowie 8 bis 10 ist das Gehäuse seitlich

offen, so dass die Analytlösung im Durchfluss an der Reaktionsschicht vorbeiströmen kann.

Legende der Symbole in der vorstehenden Beschreibung und den Figuren:

- ↑ = Primer, in Lösung
- 5 x = unspezifisch
- A, B = ein bestimmtes DNA-Fragment betreffend
- ⊥ = immobilisiertes Oligonucleotid, ohne Primerfunktion
- = immobilisierter Primer
- F = DNA-Fragment
- 10 S = Einzelstrang eines DNA-Fragments
- +/- = einen codierenden / nicht codierenden Strang betreffend

## Patentansprüche

1. Verfahren zur PCR-Amplifikation und Detektion von N  
otidsequenzen,
- 5 mit folgenden Verfahrensschritten:
  - a) es wird ein Array von mehreren Analysepositionen bi  
den Microspots verwendet, wobei die Microspots weni  
tens ein immobilisiertes, mit einer zu identifizier  
Zielsequenz eines DNA-Fragments hybridisierbares OI  
10 nucleotid als Sondenmolekül enthalten,
  - b) eine PCR-Reagenzien und mehrere Zielsequenzen entha  
de Analytlösung wird so auf die Microspots aufgebra  
dass sie das Array vollständig überdeckt,
  - c) zur Amplifikation der Zielsequenzen wird das Array  
15 Thermozyklisierung unterworfen,
  - d) Hybridisierungsereignisse an immobilisierten Sonden  
külen einer Analyseposition werden mit Hilfe von Mi  
elektrodenanordnung detektiert.
- 20 2. Verfahren nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, da  
eine hydrophile Reaktionsschicht (14) mit Kopplungsgrupp  
zur kovalenten Bindung von Sondenmolekülen verwendet wir
- 25 3. Verfahren nach Anspruch 2, dadurch gekennzeichnet, da  
als Reaktionsschicht (14) ein Hydrogel verwendet wird.
- 30 4. Verfahren nach Anspruch 2 oder 3, dadurch gekennzeich  
dass ein radikalisch vernetzbares Hydrogel auf Acrylamid  
mit Maleinsäureanhydrid und/oder Glycidyl(meth)acrylat a  
Kopplungsgruppen verwendet wird.
- 35 5. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch ge  
kennzeichnet, dass ein ein Bio-Chip, der eine Halbleiter  
schicht und eine damit verbundene Isolierschicht (13) um  
fasst, verwendet wird, wobei letztere auf ihrer der Halb

terschicht abgewandten Seite die Elektrodenanordnung (5) und die Reaktionsschicht (14) trägt.

6. Verfahren nach Anspruch 5, dadurch gekennzeichnet, dass

5 als Halbleiterschicht eine Siliziumschicht (12) verwendet wird.

7. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 6, dadurch ge-

kenntzeichnet, dass eine Analytlösung verwendet wird, die ein  
10 externes, d.h. außerhalb einer Zielsequenz mit einer Ziel-DNA  
hybridisierendes Primerpaar enthält.

8. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch ge-

kenntzeichnet, dass eine Analytlösung verwendet wird, die meh-  
15 rere DNA-Fragmente mit unterschiedlicher Zielsequenz und ein  
einziges zur Amplifikation sämtlicher Zielsequenzen geeigne-  
tes externes Primerpaar enthält.

9. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch ge-

20 kennzeichnet, dass eine Analytlösung verwendet wird, die ei-  
nen mit dem einen Strang wenigstens eines DNA-Fragments zu-  
sammenwirkenden externen Primer enthält, und dass die Elonga-  
tion eines Gegenstrangs innerhalb einer Reaktionsschicht mit  
Hilfe eines dort immobilisierten internen, d.h. mit der Ziel-  
25 sequenz spezifisch hybridisierenden Primers erfolgt.

10. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 7, dadurch ge-

kennzeichnet, dass eine Analytlösung verwendet wird, in der  
ein mit einer Zielsequenz spezifisch hybridisierendes inter-  
30 nes Primerpaar in einem Microspot immobilisiert ist.

11. Vorrichtung zur Durchführung des Verfahrens nach Anspruch  
1 oder einem der Ansprüche 2 bis 10, enthaltend einen Bio-

Chip mit einem Array von Analysepositionen bildenden Micro-  
35 spots (4), die von einer hydrophilen Reaktionsschicht (14)  
abgedeckt sind.

12. Vorrichtung nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass der Bio-Chip mit hydrophiler Reaktionsschicht (14) in einem Gehäuse mit Durchfluss für eine Analytlösung (18) angeordnet ist.

5

13. Vorrichtung nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass der Bio-Chip als Substrat (2) Träger für die Mikrospots (4) enthält.

10 14. Vorrichtung nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass das Substrat (2) aus einem Halbleitermaterial, insbesondere Silizium (Si), auf dem eine Isolierschicht (13) aufgebracht ist, besteht.

15 15. Vorrichtung nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass der Bio-Chip ein vorgefertigter Silizium-Chip mit darin implementierten Dünnschicht-Mikroelektroden (6a, 7a; 24, 25) ist.

20

FIG 1

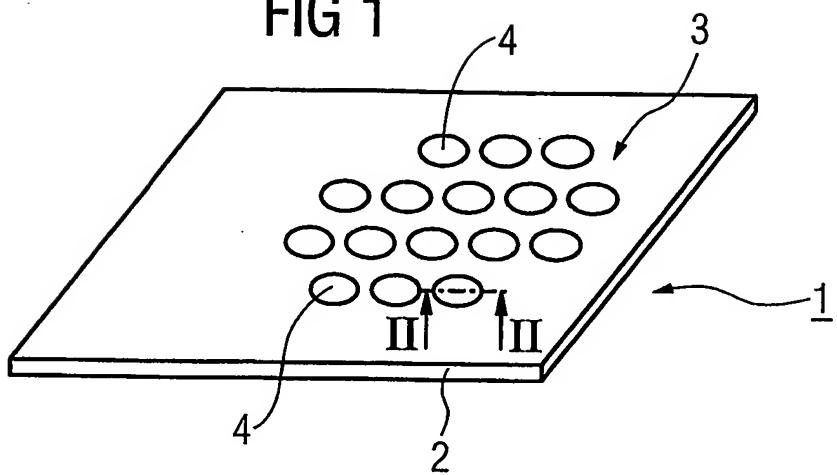


FIG 2

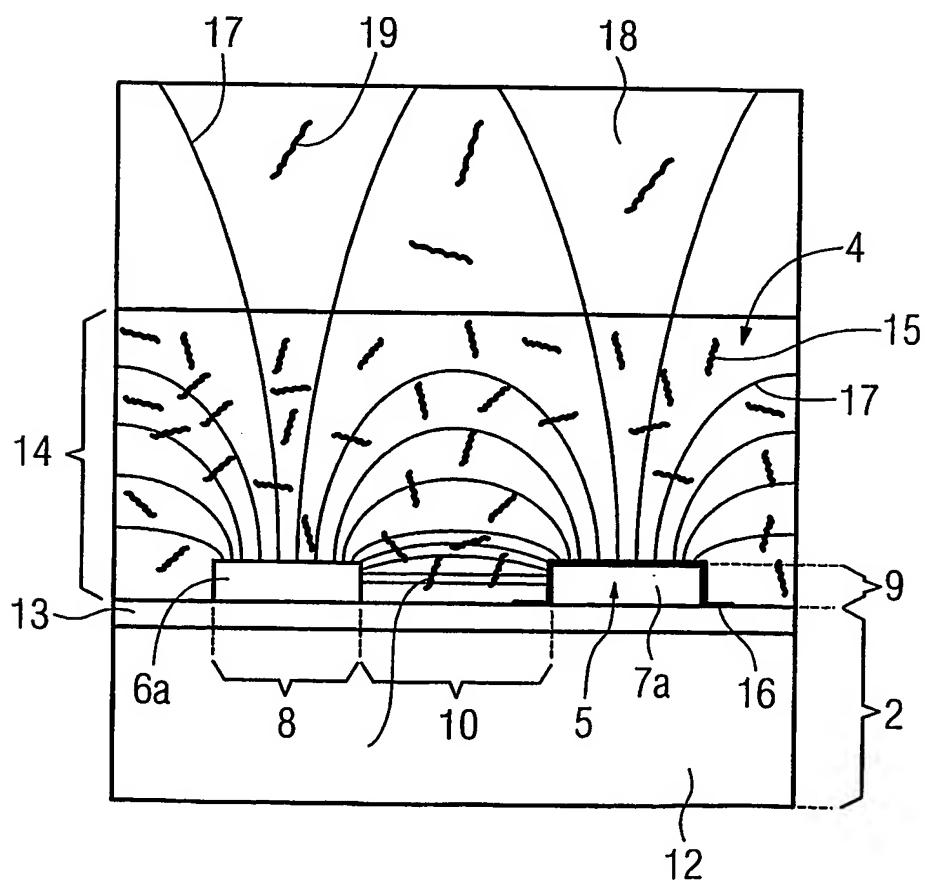


FIG 3

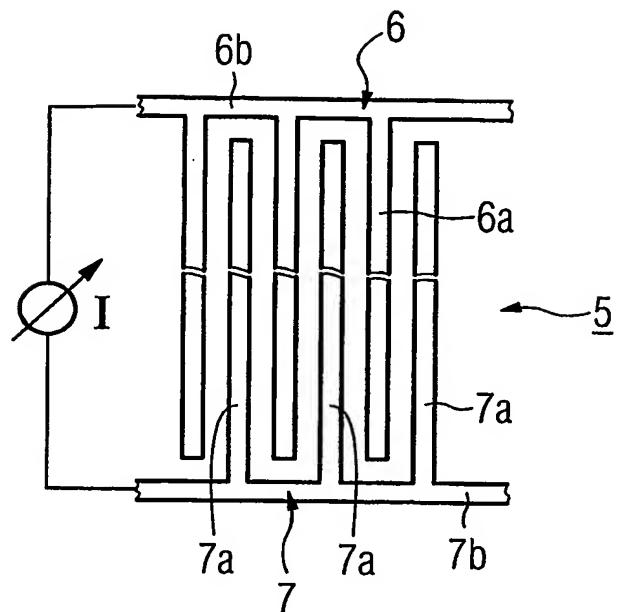


FIG 4

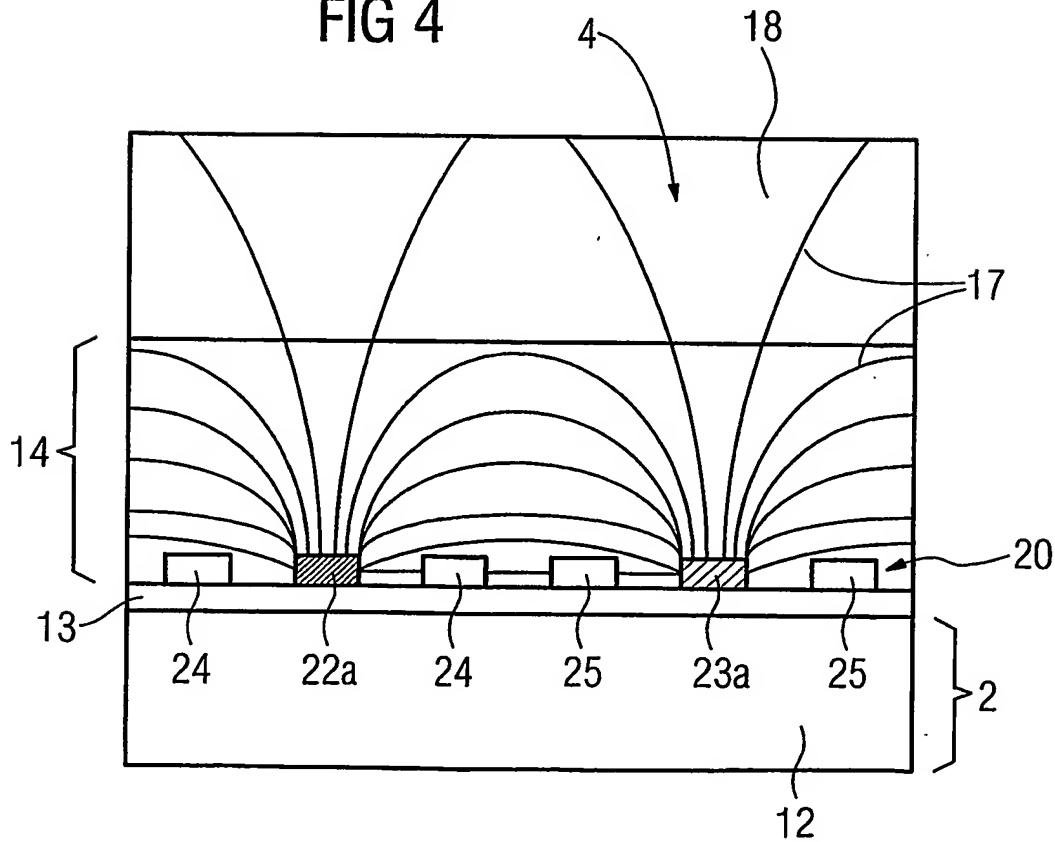


FIG 5

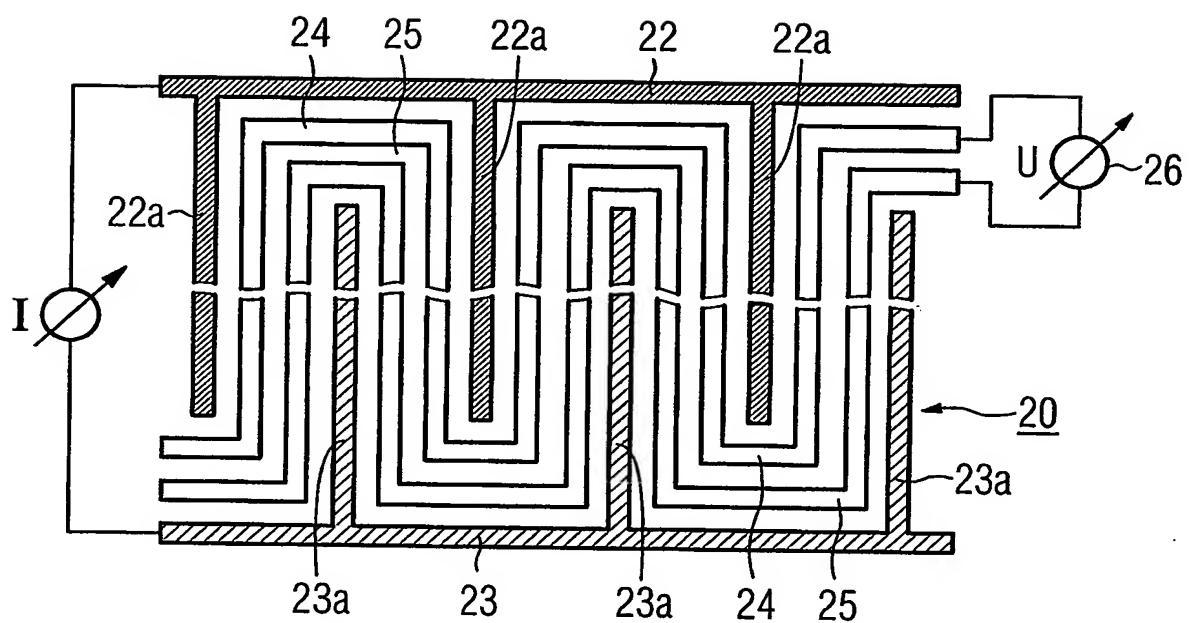


FIG 6

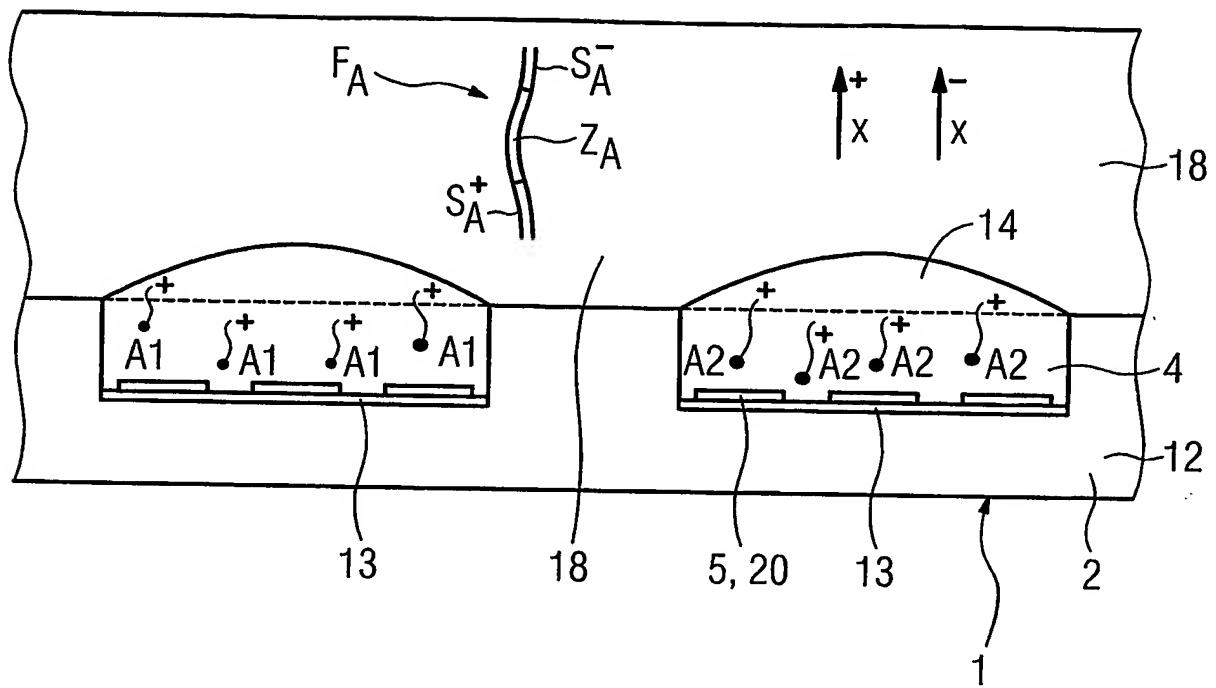


FIG 7

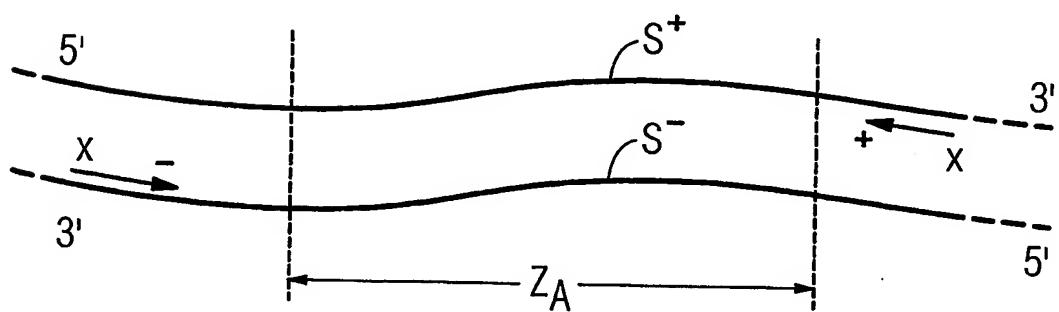


FIG 8

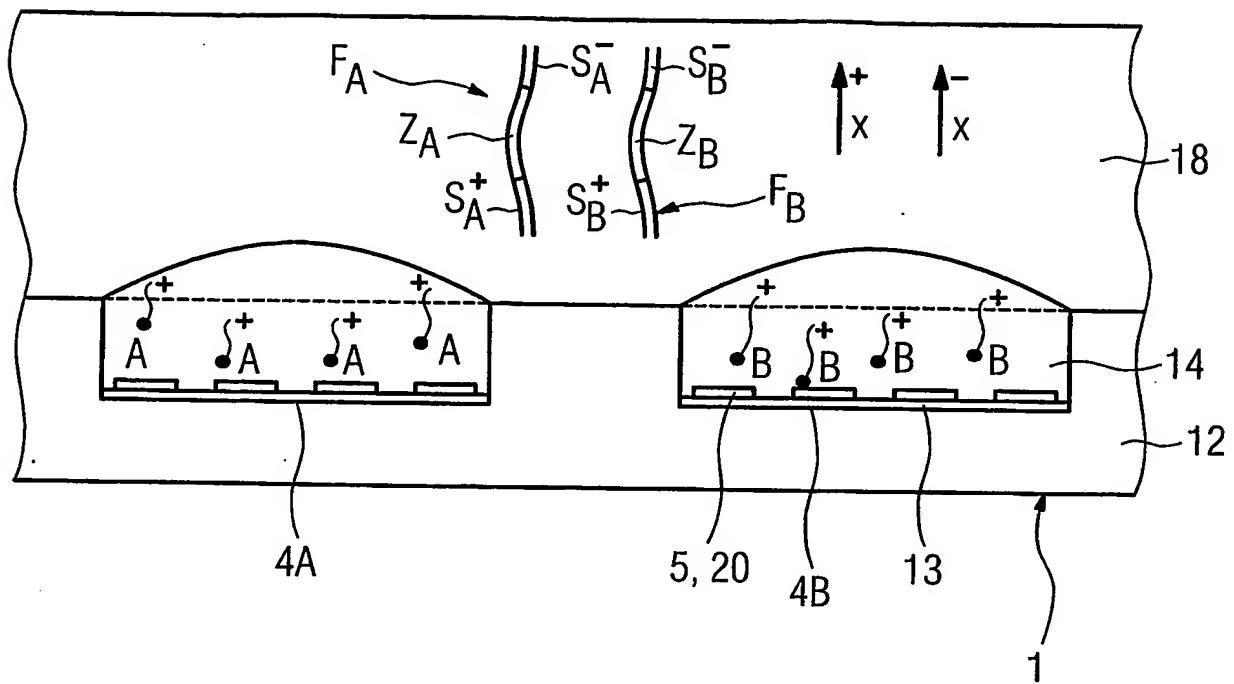


FIG 9

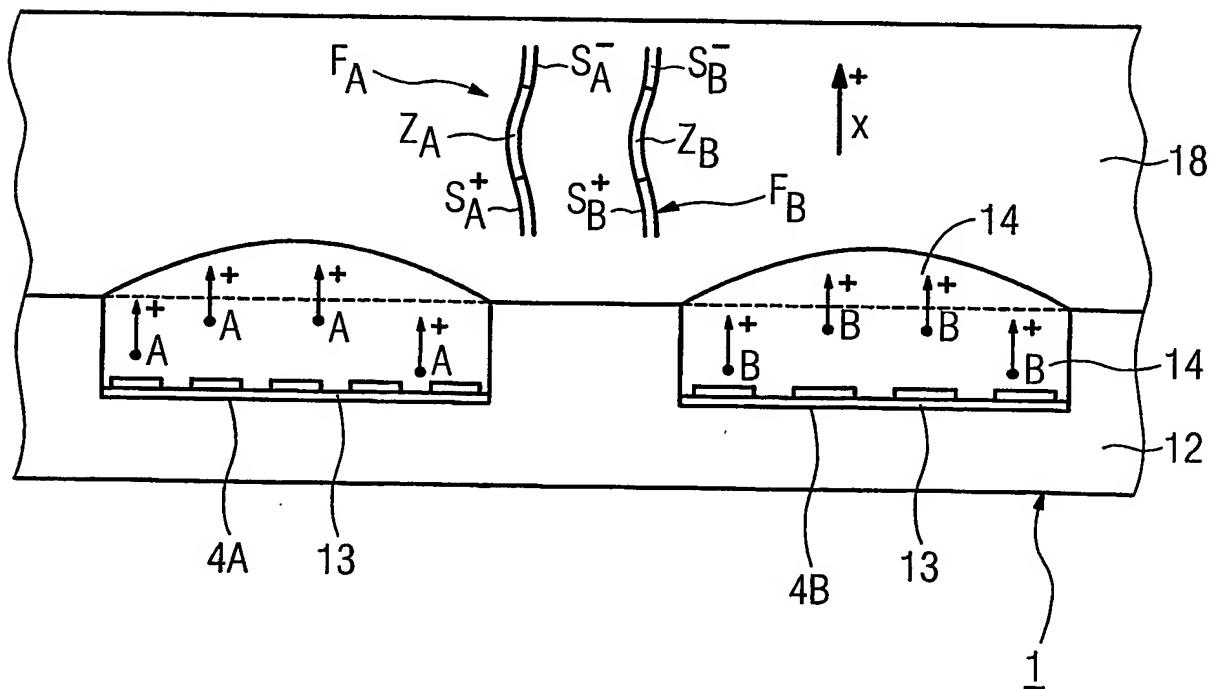
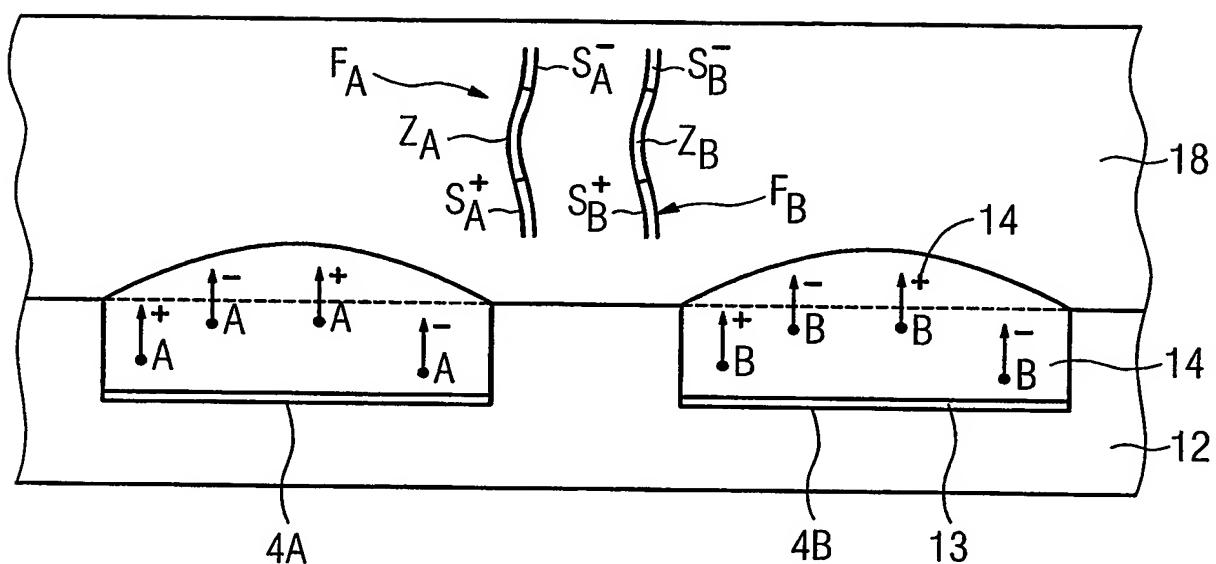


FIG 10



# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No  
PCT/DE 03/04136

**A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER**  
IPC 7 C12Q1/68

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

**B. FIELDS SEARCHED**

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)  
IPC 7 C12Q

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the International search (name of data base and, where practical, search terms used)

EPO-Internal, WPI Data, BIOSIS, COMPENDEX, INSPEC, MEDLINE, EMBASE

**C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT**

Category	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	WO 00/62036 A (NERENBERG MICHAEL I; EDMAN CARL F (US); WALKER GEORGE T (US); NANO) 19 October 2000 (2000-10-19)	1-3
Y	page 13, line 20 -page 26, line 15; claims 1-47; figures 1,2,12-15,22,23	4,7-10, 12,15
X	WO 00/60919 A (FENG LANA L; LANDIS GEOFFREY C (US); NERENBERG MICHAEL I (US); EDM) 19 October 2000 (2000-10-19)	1-3
Y	claims 1-32	4-15
X	US 6 258 606 B1 (KOVACS GREGORY T A) 10 July 2001 (2001-07-10)	1,5,6
Y	the whole document	12,15
	---	-/-

Further documents are listed in the continuation of box C.

Patent family members are listed in annex.

\* Special categories of cited documents:

- \*A\* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance
- \*E\* earlier document but published on or after the International filing date
- \*L\* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)
- \*O\* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means
- \*P\* document published prior to the International filing date but later than the priority date claimed

- \*T\* later document published after the International filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
- \*X\* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
- \*Y\* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.
- \*&\* document member of the same patent family

Date of the actual completion of the International search

19 May 2004

Date of mailing of the International search report

03/06/2004

Name and mailing address of the ISA

European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2  
NL - 2280 HV Rijswijk  
Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,  
Fax: (+31-70) 340-3016

Authorized officer

Stachowiak, O

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No

PCT/DE 03/04136

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT	
Category	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages Relevant to claim No.
X	WO 00/58522 A (CHANOCK STEPHEN J; NANOCEN INC (US); GILES PATRICK N (US); WU DAVI) 5 October 2000 (2000-10-05) page 2, line 15 -page 5, line 20; claims 1-9 --- FUCHS A ET AL: "A SILICON LAB-ON-CHIP FOR INTEGRATED SAMPLE PREPARATION BY PCR AND DNA ANALYSIS BY HYBRIDIZATION" ANNUAL INTERNATIONAL IEEE-EMBS SPECIAL TOPIC CONFERENCE ON MICROTECHNOLOGIES IN MEDICINE AND BIOLOGY. PROCEEDINGS, XX, XX, 2 May 2002 (2002-05-02), pages 227-231, XP001180969 abstract; figures 1-4 --- US 5 736 257 A (CHARLES JR PAUL T ET AL) 7 April 1998 (1998-04-07) Y claims 1-7 --- WO 02/20833 A (BIOCHIP TECHNOLOGIES GMBH; SCHNEIDER STEPHAN (DE); ZELTZ PATRIC (D) 14 March 2002 (2002-03-14) the whole document --- HODKO D ET AL: "DETECTION OF PATHOGENS USING ON-CHIP ELECTROCHEMICAL ANALYSIS OF PCR AMPLIFIED DNA MOLECULES" PROCEEDINGS OF THE SPIE, SPIE, BELLINGHAM, VA, US, vol. 4265, 25 January 2001 (2001-01-25), pages 65-74, XP008000573 ISSN: 0277-786X page 72, paragraph 1 -page 73, last paragraph; figure 1 --- SOSNOWSKI R G ET AL: "RAPID DETERMINATION OF SINGLE BASE MISMATCH MUTATIONS IN DNA HYBRIDS BY DIRECT ELECTRIC FIELD CONTROL" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, NATIONAL ACADEMY OF SCIENCE. WASHINGTON, US, vol. 94, February 1997 (1997-02), pages 1119-1123, XP000857636 ISSN: 0027-8424 the whole document ---
	1-3,11, 13,14 1-3,11, 13,14 11,13,14 4-6,11, 13,14 7-10 1-15 1-15

-/-

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No

PCT/DE 03/04136

## C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED RELEVANT

Category	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	GILLES P N ET AL: "SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHIC DISCRIMINATION BY AN ELECTRONIC DOT BLOT ASSAY ON SEMICONDUCTOR MICROCHIPS" NATURE BIOTECHNOLOGY, NATURE PUBLISHING, US, vol. 17, April 1999 (1999-04), pages 365-370, XP002928935 ISSN: 1087-0156 page 365-367; figure 1 -----	1-15

# INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International Application No

PCT/DE 03/04136

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)		Publication date
WO 0062036	A	19-10-2000	CA EP JP WO US	2369016 A1 1177423 A1 2002541475 T 0062036 A1 2003104430 A1	19-10-2000 06-02-2002 03-12-2002 19-10-2000 05-06-2003
WO 0060919	A	19-10-2000	US CA EP JP WO US	6531302 B1 2369148 A1 1192720 A2 2003510012 T 0060919 A2 2003219804 A1	11-03-2003 19-10-2000 03-04-2002 18-03-2003 19-10-2000 27-11-2003
US 6258606	B1	10-07-2001	US US US US AU AU BR CA CN EP JP KR NZ WO US US	5965452 A 2002131899 A1 2002127733 A1 2002029971 A1 722148 B2 3717697 A 9710271 A 2259406 A1 1255197 A 0920624 A1 2001525921 T 2000023659 A 333947 A 9801758 A1 6225059 B1 6254827 B1	12-10-1999 19-09-2002 12-09-2002 14-03-2002 20-07-2000 02-02-1998 10-08-1999 15-01-1998 31-05-2000 09-06-1999 11-12-2001 25-04-2000 24-11-2000 15-01-1998 01-05-2001 03-07-2001
WO 0058522	A	05-10-2000	AU CA CN EP JP WO US	4058500 A 2372909 A1 1313906 T 1088101 A1 2004500020 T 0058522 A1 2004058317 A1	16-10-2000 05-10-2000 19-09-2001 04-04-2001 08-01-2004 05-10-2000 25-03-2004
US 5736257	A	07-04-1998	WO US	9633971 A1 5847019 A	31-10-1996 08-12-1998
WO 0220833	A	14-03-2002	EP AU WO JP US	1186669 A1 8771201 A 0220833 A2 2004508053 T 2004048270 A1	13-03-2002 22-03-2002 14-03-2002 18-03-2004 11-03-2004

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Internationales Aktenzeichen

PCT/DE 03/04136

A. KLASIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGERÄTES  
IPK 7 C12Q1/68

Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPK

## B. RECHERCHIERTE GEBIETE

Recherchierte Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbole )  
IPK 7 C12Q

Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, soweit diese unter die recherchierten Gebiete fallen

Während der Internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Name der Datenbank und evtl. verwendete Suchbegriffe)

EPO-Internal, WPI Data, BIOSIS, COMPENDEX, INSPEC, MEDLINE, EMBASE

## C. ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN

Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
X	WO 00/62036 A (NERENBERG MICHAEL I; EDMAN CARL F (US); WALKER GEORGE T (US); NANO) 19. Oktober 2000 (2000-10-19)	1-3
Y	Seite 13, Zeile 20 -Seite 26, Zeile 15; Ansprüche 1-47; Abbildungen 1,2,12-15,22,23	4,7-10, 12,15
X	WO 00/60919 A (FENG LANA L; LANDIS GEOFFREY C (US); NERENBERG MICHAEL I (US); EDM) 19. Oktober 2000 (2000-10-19)	1-3
Y	Ansprüche 1-32	4-15
X	US 6 258 606 B1 (KOVACS GREGORY T A) 10. Juli 2001 (2001-07-10)	1,5,6
Y	das ganze Dokument	12,15
		-/-

Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu entnehmen

Siehe Anhang Patentfamilie

\* Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen :

\*A\* Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist

\*E\* älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem Internationalen Anmeldeatum veröffentlicht worden ist

\*L\* Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt)

\*O\* Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht

\*P\* Veröffentlichung, die vor dem Internationalen Anmeldeatum, aber nach dem beanspruchten Prioritätsatum veröffentlicht worden ist

\*T\* Spätere Veröffentlichung, die nach dem Internationalen Anmeldeatum oder dem Prioritätsatum veröffentlicht worden ist und mit der Anmeldung nicht kollidiert, sondern nur zum Verständnis des der Erfindung zugrundeliegenden Prinzips oder der ihr zugrundeliegenden Theorie angegeben ist

\*Y\* Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann allein aufgrund dieser Veröffentlichung nicht als neu oder auf erfinderscher Tätigkeit beruhend betrachtet werden

\*&\* Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann nicht als auf erfinderscher Tätigkeit beruhend betrachtet werden, wenn die Veröffentlichung mit einer oder mehreren anderen Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und diese Verbindung für einen Fachmann naheliegend ist

\*&\* Veröffentlichung, die Mitglied derselben Patentfamilie ist

Datum des Abschlusses der Internationalen Recherche

Absendedatum des Internationalen Recherchenberichts

19. Mai 2004

03/06/2004

Name und Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde  
Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2  
NL - 2280 HV Rijswijk  
Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,  
Fax: (+31-70) 340-3016

Bevollmächtigter Bediensteter

Stachowiak, O

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Internationales Aktenzeichen  
PCT/DE 03/04136

C.(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHENDE UNTERLAGEN	
Kategorie*	*Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile Betr. Anspruch Nr.
X	WO 00/58522 A (CHANOCK STEPHEN J; NANOGEN INC (US); GILES PATRICK N (US); WU DAVI) 5. Oktober 2000 (2000-10-05) Seite 2, Zeile 15 -Seite 5, Zeile 20; Ansprüche 1-9 ---
X	FUCHS A ET AL: "A SILICON LAB-ON-CHIP FOR INTEGRATED SAMPLE PREPARATION BY PCR AND DNA ANALYSIS BY HYBRIDIZATION" ANNUAL INTERNATIONAL IEEE-EMBS SPECIAL TOPIC CONFERENCE ON MICROTECHNOLOGIES IN MEDICINE AND BIOLOGY. PROCEEDINGS, XX, XX, 2. Mai 2002 (2002-05-02), Seiten 227-231, XP001180969 Zusammenfassung; Abbildungen 1-4 ---
X	US 5 736 257 A (CHARLES JR PAUL T ET AL) 7. April 1998 (1998-04-07) Ansprüche 1-7
Y	---
Y	WO 02/20833 A (BIOCHIP TECHNOLOGIES GMBH; SCHNEIDER STEPHAN (DE); ZELTZ PATRIC (D) 14. März 2002 (2002-03-14) das ganze Dokument ---
A	HODKO D ET AL: "DETECTION OF PATHOGENS USING ON-CHIP ELECTROCHEMICAL ANALYSIS OF PCR AMPLIFIED DNA MOLECULES" PROCEEDINGS OF THE SPIE, SPIE, BELLINGHAM, VA, US, Bd. 4265, 25. Januar 2001 (2001-01-25), Seiten 65-74, XP008000573 ISSN: 0277-786X Seite 72, Absatz 1 -Seite 73, letzter Absatz; Abbildung 1 ---
A	SOSNOWSKI R G ET AL: "RAPID DETERMINATION OF SINGLE BASE MISMATCH MUTATIONS IN DNA HYBRIDS BY DIRECT ELECTRIC FIELD CONTROL" PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF USA, NATIONAL ACADEMY OF SCIENCE. WASHINGTON, US, Bd. 94, Februar 1997 (1997-02), Seiten 1119-1123, XP000857636 ISSN: 0027-8424 das ganze Dokument ---
	-/-

# INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Internationales Aktenzeichen

PCT/DE 03/04136

## C.(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHEN UNTERLAGEN

Kategorie	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
A	GILLES P N ET AL: "SINGLE NUCLEOTIDE POLYMORPHIC DISCRIMINATION BY AN ELECTRONIC DOT BLOT ASSAY ON SEMICONDUCTOR MICROCHIPS" NATURE BIOTECHNOLOGY, NATURE PUBLISHING, US, Bd. 17, April 1999 (1999-04), Seiten 365-370, XP002928935 ISSN: 1087-0156 Seite 365-367; Abbildung 1 -----	1-15

**INTERNATIONAHLER RECHERCHENBERICHT**

Angaben zu Veröffentlichungen, die zur selben Patentfamilie gehören

Internationales Aktenzeichen

PCT/DE 03/04136

Im Recherchenbericht angeführtes Patentdokument		Zeitpunkt der Veröffentlichung		Mitglied(er) der Patentfamilie		Datum der Veröffentlichung
WO 0062036	A	19-10-2000		CA 2369016 A1 EP 1177423 A1 JP 2002541475 T WO 0062036 A1 US 2003104430 A1		19-10-2000 06-02-2002 03-12-2002 19-10-2000 05-06-2003
WO 0060919	A	19-10-2000		US 6531302 B1 CA 2369148 A1 EP 1192720 A2 JP 2003510012 T WO 0060919 A2 US 2003219804 A1		11-03-2003 19-10-2000 03-04-2002 18-03-2003 19-10-2000 27-11-2003
US 6258606	B1	10-07-2001		US 5965452 A US 2002131899 A1 US 2002127733 A1 US 2002029971 A1 AU 722148 B2 AU 3717697 A BR 9710271 A CA 2259406 A1 CN 1255197 A EP 0920624 A1 JP 2001525921 T KR 2000023659 A NZ 333947 A WO 9801758 A1 US 6225059 B1 US 6254827 B1		12-10-1999 19-09-2002 12-09-2002 14-03-2002 20-07-2000 02-02-1998 10-08-1999 15-01-1998 31-05-2000 09-06-1999 11-12-2001 25-04-2000 24-11-2000 15-01-1998 01-05-2001 03-07-2001
WO 0058522	A	05-10-2000		AU 4058500 A CA 2372909 A1 CN 1313906 T EP 1088101 A1 JP 2004500020 T WO 0058522 A1 US 2004058317 A1		16-10-2000 05-10-2000 19-09-2001 04-04-2001 08-01-2004 05-10-2000 25-03-2004
US 5736257	A	07-04-1998		WO 9633971 A1 US 5847019 A		31-10-1996 08-12-1998
WO 0220833	A	14-03-2002		EP 1186669 A1 AU 8771201 A WO 0220833 A2 JP 2004508053 T US 2004048270 A1		13-03-2002 22-03-2002 14-03-2002 18-03-2004 11-03-2004

**This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning  
Operations and is not part of the Official Record**

## **BEST AVAILABLE IMAGES**

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

**BLACK BORDERS**

**IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES**

**FADED TEXT OR DRAWING**

**BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING**

**SKEWED/SLANTED IMAGES**

**COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS**

**GRAY SCALE DOCUMENTS**

**LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT**

**REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY**

**OTHER:** \_\_\_\_\_

**IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.**

**As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.**